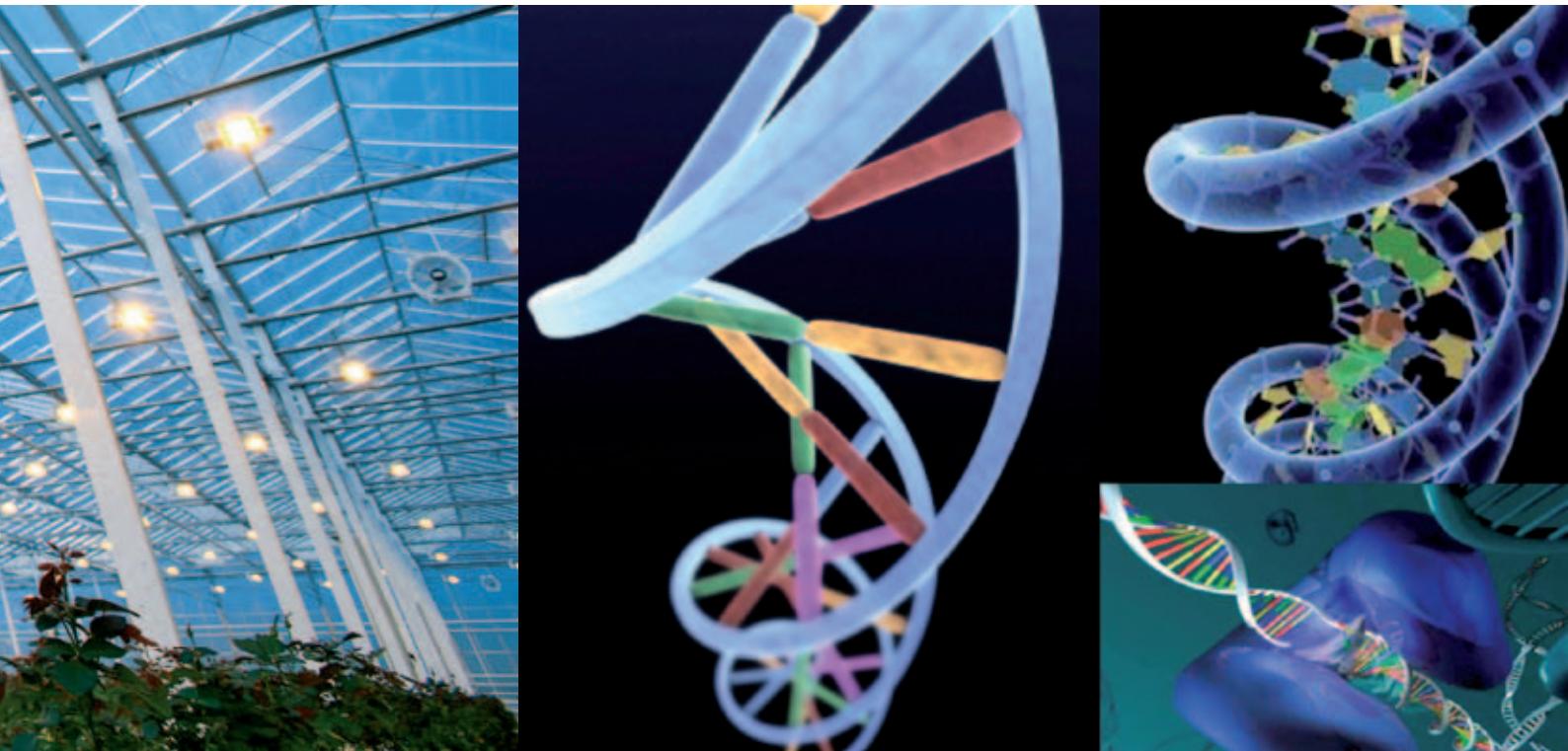




Moleculaire analyse van Amblyseius (Neoseiulus) cucumeris van verschillende bronnen

Anton van der Linden¹, Khanh Pham², Pierre Ramakers¹

¹ Wageningen UR Glastuinbouw, ² Wageningen UR Praktijkonderzoek Plant & Omgeving



© 2010 Wageningen, Wageningen UR Glastuinbouw

Alle rechten voorbehouden. Niets uit deze uitgave mag worden verveelvoudigd, opgeslagen in een geautomatiseerd gegevensbestand, of openbaar gemaakt, in enige vorm of op enige wijze, hetzij elektronisch, mechanisch, door fotokopieën, opnamen of enige andere manier zonder voorafgaande schriftelijke toestemming van Wageningen UR Glastuinbouw

Wageningen UR Glastuinbouw

Adres : ViolierenweG 1, 2665 MV Bleiswijk
 : Postbus 20, 2665 ZG Bleiswijk
Tel. : 0317 - 48 56 06
Fax : 010 - 522 51 93
E-mail : glastuinbouw@wur.nl
Internet : www.glastuinbouw.wur.nl

Inhoudsopgave

1	Inleiding	4
2	Materiaal en Methode	5
2.1	Mijtenkweken	5
2.2	DNA isolatie	5
2.3	PCR (Polymerase Chain Reaction)	6
2.4	Sequentie analyse	6
3	Resultaten en Dicussie	7
3.1	PCR resultaten met ITS primers	7
3.2	PCR resultaten met 12S primers	8
4	Conclusies	9
5	Literatuur	10
Bijlage I.	CLUSTAL 2.0.12 multiple sequence alignment	11
Bijlage II.	BLAST analyse van 12S fragment, 5 basen verschil te zien	18

1 Inleiding

In de glastuinbouw, de fruitteelt en de boomkwekerij vormen roofmijten de basis van de geïntegreerde bestrijding. Bij de geïntegreerde bestrijding van trips wordt de roofmijt *Amblyseius (Neoseiulus) cucumeris* al tientallen jaren losgelaten in allerlei kasgewassen. In sommige gewassen zoals paprika vestigt deze soort zich zeer gemakkelijk. Zelfs als er geen of weinig trips aanwezig is, vermeerderen de roofmijten zich op paprikastuifmeel. Na loslating in roos echter wordt *N. cucumeris* nauwelijks of helemaal niet meer teruggevonden. Deze roofmijt lijkt zich op (kas)roos niet goed thuis te voelen. Het was dus verrassend dat roofmijten die waren verzameld van wilde rozen in Hongarije, werden gedetermineerd als *N. cucumeris*. De vraag rees of dit mogelijk een andere soort is, die op morfologische kenmerken niet te onderscheiden is. Traditioneel worden roofmijten gedetermineerd aan de hand van microscopische preparaten. Dit kan alleen met volwassen roofmijten. Deze worden eerst opgehelderd, waarna met doorvallend licht de uiterlijke en inwendige kenmerken worden bekeken. Sommige soorten verschillen slechts op minieme details. In zo'n geval biedt DNA-onderzoek een welkome ondersteuning. In een voorafgaand project heeft PPO Bloembollen, Boomteelt en Fruitteelt in Lisse de verschillende in kassen gebruikte roofmijten onderzocht, en waar nodig de ontbrekende soort-specifieke primers gedefinieerd. Daarmee konden alle roofmijtsoorten eenduidig van elkaar worden onderscheiden. De verwantschap tussen de soorten stemde ook goed overeen met de "stamboom" die op basis van morfologische kenmerken was opgesteld.

In de hier gerapporteerde consultancy werd via een DNA-vermenigvuldigingsmethode (PCR-toets) onderzocht of er genetisch verschil aangetoond kon worden tussen vier verschillende herkomsten van *Amblyseius (Neoseiulus) cucumeris*.

2 Materiaal en Methode

2.1 Mijtenkweken

Vier herkomsten van *Amblyseius (Neoseiulus) cucumeris* werden geanalyseerd (Tabel 1):

N(aaldwijk): Deze roofmijten werden aan het eind van de jaren 70 uit een paprikakas van het Proefstation in Naaldwijk verzameld en tot op heden in het laboratorium doorgekweekt. Deze kweeklijn is indertijd ter beschikking gesteld aan een Nederlandse (Koppert) en een Engelse (Bunting & Sons) producent.

K(oppert): Deze populatie is in het begin van de jaren 90 verzameld van Thunbergia in Nieuw-Zeeland (van Houten *et al.*, 1995). N en K bleken onderling gemakkelijk kruisbaar. Daarmee rijst de vraag of K origineel inheems materiaal was, dan wel ingevoerd met plantmateriaal uit b.v. Europa. Uit deze lijn werd een diapauzvrije stam geselecteerd, die later door Koppert in kweek is genomen.

C(hina): Dit materiaal wordt geleverd door een instituut in Fuzhou, maar is niet in China geïsoleerd. Het uitgangsmateriaal was een klein aantal individuen van een Engelse producent. Het is niet bekend of dit nog de N-stam dan wel reeds de K-stam betrof.

H(ongarije): Dit is een recent isolaat van wilde roos in het Noordoosten van Hongarije.

Alle roofmijten voor dit onderzoek werden voorgekweekt op voorraadmijten als prooi; bij N en H was dat dezelfde soort (zie Tabel 1). *Amblyseius cucumeris* wordt wereldwijd op grote schaal gekweekt door verschillende producenten. De onderlinge verwantschap van al die kweken is onduidelijk. Producenten hebben materiaal uitgewisseld, elkaars materiaal doorgekweekt, mogelijk eigen selecties uitgevoerd en mogelijk teruggeïsoleerd uit het veld waarbij vermindering met inheems materiaal kan hebben plaatsgevonden. Alleen bij N en H is de geografische herkomst zeker.

2.2 DNA isolatie

Voor het isoleren van DNA uit groepen (tientallen) mijten is gebruikt gemaakt van een commerciële verkrijgbare isolatie-kit (PureGene genomic DNA purification kit, Gentra/Qiagen Systems). Dit onderdeel is in duplo uitgevoerd.

Voor het isoleren van DNA uit afzonderlijke mijten is de kookmethode met lysisbuffer toegepast. Deze methode is afkomstig van aaltjesonderzoek, waarbij gebruik is gemaakt van de Thermomixer Comfort (Eppendorf).

Tabel 1: Geanalyseerde *Amblyseius (Neoseiulus) cucumeris* isolaten.

N=Naaldwijk, C=China, H=Hongarije, K=Koppert

Nr.	Isolaat Code	Gekweekt op	Jaar van analyse	Aantal mijten
1	N1	Acarus	2009	10-tallen
2	N2	Acarus	2009	10-tallen
3	C1	Aleuroglyphus	2009	10-tallen
4	C2	Aleuroglyphus	2009	10-tallen
5	H1	Acarus	2009	10-tallen
6	H2	Acarus	2009	10-tallen
7	K1	Tyrophagus	2009	10-tallen
8	K2	Tyrophagus	2009	10-tallen
9	C4	Aleuroglyphus	2010	1
10	H4	Acarus	2010	1
11	K3	Tyrophagus	2010	1
12	N3	Acarus	2010	1

2.3 PCR (Polymerase Chain Reaction)

PCR's werden uitgevoerd volgens de standaard procedure met PCR Mastermix (Promega, Madison, USA) met de generieke primers die beschreven zijn in de literatuur. Dat zijn de primers die ITS Internal transcript spacers (Navajas et al, 1999) en 12S (Jeyaprakash & Hoy, 2002) fragmenten van roofmijten kunnen amplificeren. In eerste instantie werden alleen de ITS fragmenten geanalyseerd via sequentiebepaling. In een enkel geval werden ook 12S fragmenten geanalyseerd.

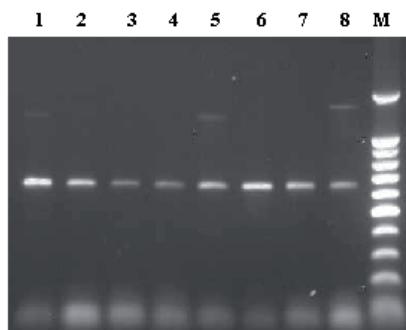
2.4 Sequentie analyse

De PCR fragmenten werden opgezuiverd m.b.v de Qiaquick PCR purification kit (Qiagen), daarna opgestuurd voor sequentiebepaling naar Baseclear in Leiden. De verkregen sequenties werden geanalyseerd met behulp van een BLAST-analyse (vergelijken met sequenties uit de GenBank, NCBI) en onderling vergeleken met de software ClustalW2 van EBI.

3 Resultaten en Dicussie

3.1 PCR resultaten met ITS primers

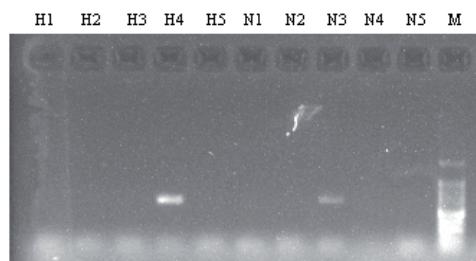
De resultaten verkregen met ITS primers (Navajas *et al.*, 1999): Van elke mijtenisolaat (Naaldwijk, China, Hongarije, Koppert) van januari 2009 werden 2 DNA-isolaten gemaakt. Hierdoor zijn er in totaal 8 ITS fragmenten gekregen (Figuur 1). De sequenties van deze fragmenten werden later bepaald. Met For en Rev primers werden de sequentie bepaald, in totaal 16 reacties)



Figuur 1. Gezuiverde PCR producten (ca.650bp) zoals geamplificeerd met ITS primers op de eerste 8 monsters uit Tabel 1.

De bepaling gaat gemakkelijker als er meerdere roofmijten worden gebruikt (Figuur 1) in plaats van 1 roofmijt (Figuur 2).

Van de mijten isolaten (enkele mijten) van begin 2010 werden met aanpassingen toch weinig fragmenten gekregen (1 op de 5 mijten). Zie Figuur 2, alleen H4 en N3 positief). Deze zijn opgenomen in Tabel 1, later ook C4 en N3 (foto niet getoond).

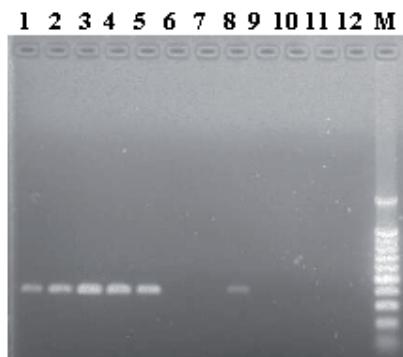


Figuur 2. PCR producten (ca.650bp) zoals geamplificeerd met ITS primers, alleen H4 en N3 met positieve reactie

Sommige roofmijten (H1-H3, H5, N1-N2, N4-N5) zijn mogelijk bij de voorbewerking onbedoeld verwijderd, waarna de bepaling geen reactie gaf. De roofmijten H4 en N3 waren aanwezig en gaven een positieve reactie.

3.2 PCR resultaten met 12S primers

De resultaten verkregen met 12 S primers (Jeyaprakash & Hoy, 2002):



Figuur 3. PCR producten (ca.400bp) zoals geamplificeerd met 12S primers op individuele mijt van Koppert isolaat (laan 1-5)

De bepaling in figuur 3 is gebaseerd op 12S fragmenten, omdat het niet altijd lukt om ITS fragmenten te verkrijgen. Door technische redenen is de bepaling aan Naaldwijk isolaten (laan 6-10) niet gelukt.

De ITS sequenties van *Amblyseius (Neoseiulus) cucumeris* isolaten werden verwerkt en de alignment staan vermeld in Bijlage 1. Hierin staat ook de sequentie van *Neoseiulus (Amblyseius) cucumeris* isolaat uit GenBank (AY121985).

Bij BLAST analyse van 12S sequentie van fragment K3 (Koppert-isolaat) is de homologie met de enige *Neoseiulus cucumeris* sequentie van de GenBank 99% (5 basen verschil in een fragment van 329 bp groot). Dit is ook een Koppert-isolaat (Jeyaprakash & Hoy, 2002). Het is dus niet duidelijk of *N. cucumeris* mijten van Koppert altijd hetzelfde zijn (Bijlage 2).

Jeyaprakash & Hoy (2002) gaat uit van 20 mijten. In principe is een mijt voldoende, maar als deze ene mijt tijdens de bewerking verloren gaat komt er niets uit de bepaling.

De alignment van de ITS sequenties van *Amblyseius (Neoseiulus) cucumeris* van verschillende herkomst (China, Hongarije, Naaldwijk, Koppert), die morfologisch identiek zijn, zijn ook moleculair identiek. Een verschil in slechts 1 à 2 nucleotiden is niet significant te noemen, bijvoorbeeld isolaat Hongarije 1 heeft in C i.p.v een G op positie 309, een C i.p.v een G bij positie 413. Uit de GenBank blijkt dat bij plaatselijke isolaten van een verwante roofmijt, *Amblyseius (Neoseiulus) swirskii*, uit Egypte wel significante verschillen bestaan. Een alignment hiervan is gemaakt en op grond daarvan ook een fylogenetische boom. Bijlage 3.

Het kan ook zijn dat in dit geval ITS sequentie niet geschikt is voor onderscheiden van *N. cucumeris* op isolaat-nivo. Bij enige analyse op 12S sequentie van K3 fragment lijkt dat het verschil tussen isolaten wel bestaat. Het was echter niet gemakkelijk om 12S fragment te amplificeren wegens de PCR condities (Jeyaprakash & Hoy., 2002). Onderscheid m.b.v RAPD-PCR techniek (Yli-Mattila et al., 2000) is een mogelijkheid maar niet toepasbaar binnen kleine projecten.

4 Conclusies

- Er zijn geen genetische verschillen aangetoond tussen de verschillende herkomsten van *Neoseiulus cucumeris* gebaseerd op ITS sequenties;
- Het is mogelijk dat in dit geval ITS sequentie niet geschikt is voor onderscheiden van *N. cucumeris* op isolaat-nivo;
- Bij enige analyse op 12S sequentie van K3 fragment lijkt dat het verschil tussen isolaten wel bestaat. Het was echter onmogelijk om 12S fragment te amplificeren onder de gegeven PCR condities;
- Onderscheid m.b.v RAPD-PCR techniek is een mogelijkheid, maar niet toepasbaar binnen kleine projecten.

5 Literatuur

Cruickshank, R.H.

Molecular markers for the phylogenetics of mites and ticks. *Systematic & Applied Acarology* (2002)7: 3-14

Houten, Y.M. Van, P. van Stratum, J. Bruin & A. Veerman.

Selection for non-diapause in *Amblyseius cucumeris* and *Amblyseius barkeri* and exploration of the effectiveness of selected strains for thrips control. *Entomologia Experimentalis et Applicata* (1995) 77: 289-295.

Jeyaprakash, A. and M. A. Hoy.

Mitochondrial 12S rRNA sequences used to design a molecular ladder assay to identify six commercially available phytoseiids (Acari: Phytoseiidae). *Biological Control* (2002) 25: 136-142

Navajas, M., J. Lagnel, G. Fauvel and G. de Moraes.

Sequence variation of ribosomal Internal Transcribed Spacers (ITS) in commercially important Phytoseiidae mites. *Experimental and Applied Acarology* (1999)23: 851-859

Ramakers, P., A. van der Linden & K. Pham.

Rovers ontmaskerd via hun DNA-profiel. *Onder Glas* (2009) 3: 12-13.

Yli-Mattila, T., S. Paavanen-Huhtala, B. Fenton and T. Tuovinen.

Species and strain identification of the predatory mite *Euseius finlandicus* by RAPD-PCR and ITS sequences. *Experimental and Applied Acarology* (2000) 24: 863-880

Bijlage I. CLUSTAL 2.0.12 multiple sequence alignment

Hongarije1	-----	
Koppert1	-----	
Naaldwijk1	-----	
China1	-----	
Naaldwijk2	-----	
China2	-----	
Hongarije2	-----	
Koppert2	-----	
C4-2010	-----	
N3-2010	-----	
H4-2010	-----	
K3-2010	-----	
 N.cucumeris_AY121985_	 AAAGTCGTAAACAGGTTCCGTAGGTGAACTGCGGAAGGATCATTACTG	50
Naaldwijk1RC	AAAGTCGTAAACAGGTTCCGTAGGTGAACTGCGGAAGGATCATTACTG	50
China1RC	AAAGTCGTAAACAGGTTCCGTAGGTGAACTGCGGAAGGATCATTACTG	50
China2RC	AAAGTCGTAAACAGGTTCCGTAGGTGAACTGCGGAAGGATCATTACTG	50
C4-2010RC	AAAGTCGTAAACAGGTTCCGTAGGTGAACTGCGGAAGGATCATTACTG	50
Naaldwijk2RC	AAAGTTGTAAACAGGTTCCGTAGGTGAACTGCGGAAGGATCATTACTG	50
Hongarije2RC	AAAGTTGTAAACAGGTTCCGTAGGTGAACTGCGGAAGGATCATTACTG	50

Hongarije1	----- TAC TTCTGTAGGTGAGTGGTCGATGTATGATGCA	34
Koppert1	----- TAC TTCTGTAGGTGAGTGGTCGATGTATGATGCA	34
Naaldwijk1	----- TAC TTCTGTAGGTGAGTGGTCGATGTATGATGCA	34
China1	----- TAC TTCTGTAGGTGAGTGGTCGATGTATGATGCA	34
Naaldwijk2	----- TAC TTCTGTAGGTGAGTGGTCGATGTATGATGCA	34
China2	----- TAC TTCTGTAGGTGAGTGGTCGATGTATGATGCA	34
Hongarije2	----- TAC TTCTGTAGGTGAGTGGTCGATGTATGATGCA	34
Koppert2	----- TAC TTCTGTAGGTGAGTGGTCGATGTATGATGCA	34
C4-2010	----- TCC CTACTTCTGTAGGTGAGTGGTCGATGTATGATGCA	38
N3-2010	----- TCC CTACTTCTGTAGGTGAGTGGTCGATGTATGATGCA	38
H4-2010	----- TCC CTACTTCTGTAGGTGAGTGGTCGATGTATGATGCA	38
K3-2010	----- TCC CTACTTCTGTAGGTGAGTGGTCGATGTATGATGCA	38
 N.cucumeris_AY121985_	 ATTAAAATCCATTCCCTACTTCTGTAGGTGAGTGGTCGATGTATGATGCA	100
Naaldwijk1RC	ATTAAAATCCATTCCCTACTTCTGTAGGTGAGTGGTCGATGTATGATGCA	100
China1RC	ATTAAAATCCATTCCCTACTTCTGTAGGTGAGTGGTCGATGTATGATGCA	100
China2RC	ATTAAAATCCATTCCCTACTTCTGTAGGTGAGTGGTCGATGTATGATGCA	100
C4-2010RC	ATTAAAATCCATTCCCTACTTCTGTAGGTGAGTGGTCGATGTATGATGCA	100
Naaldwijk2RC	ATTAAAATCCATTCCCTACTTCTGTAGGTGAGTGGTCGATGTATGATGCA	100
Hongarije2RC	ATTAAAATCCATTCCCTACTTCTGTAGGTGAGTGGTCGATGTATGATGCA	100

Hongarije1	CTATCTTAGACTCCCACAGCTCAGTCGCTGACTGTTGTTGCTTCGAG	84
Koppert1	CTATCTTAGACTCCCACAGCTCAGTCGCTGACTGTTGTTGCTTCGAG	84
Naaldwijk1	CTATCTTAGACTCCCACAGCTCAGTCGCTGACTGTTGTTGCTTCGAG	84
China1	CTATCTTAGACTCCCACAGCTCAGTCGCTGACTGTTGTTGCTTCGAG	84
Naaldwijk2	CTATCTTAGACTCCCACAGCTCAGTCGCTGACTGTTGTTGCTTCGAG	84
China2	CTATCTTAGACTCCCACAGCTCAGTCGCTGACTGTTGTTGCTTCGAG	84
Hongarije2	CTATCTTAGACTCCCACAGCTCAGTCGCTGACTGTTGTTGCTTCGAG	84
Koppert2	CTATCTTAGACTCCCACAGCTCAGTCGCTGACTGTTGTTGCTTCGAG	84
C4-2010	CTATCTTAGACTCCCACAGCTCAGTCGCTGACTGTTGTTGCTTCGAG	88
N3-2010	CTATCTTAGACTCCCACAGCTCAGTCGCTGACTGTTGTTGCTTCGAG	88
H4-2010	CTATCTTAGACTCCCACAGCTCAGTCGCTGACTGTTGTTGCTTCGAG	88
K3-2010	CTATCTTAGACTCCCACAGCTCAGTCGCTGACTGTTGTTGCTTCGAG	88
N.cucumeris_AY121985_	CTATCTTAGACTCCCACAGCTCAGTCGCTGACTGTTGTTGCTTCGAG	150
Naaldwijk1RC	CTATCTTAGACTCCCACAGCTCAGTCGCTGACTGTTGTTGCTTCGAG	150
China1RC	CTATCTTAGACTCCCACAGCTCAGTCGCTGACTGTTGTTGCTTCGAG	150
China2RC	CTATCTTAGACTCCCACAGCTCAGTCGCTGACTGTTGTTGCTTCGAG	150
C4-2010RC	CTATCTTAGACTCCCACAGCTCAGTCGCTGACTGTTGTTGCTTCGAG	150
Naaldwijk2RC	CTATCTTAGACTCCCACAGCTCAGTCGCTGACTGTTGTTGCTTCGAG	150
Hongarije2RC	CTATCTTAGACTCCCACAGCTCAGTCGCTGACTGTTGTTGCTTCGAG	150

Hongarije1	AGGCATGTGACAAACTTGTATTCAAATACGTAGTGCAGCTCGTTGGTC	134
Koppert1	AGGCATGTGACAAACTTGTATTCAAATACGTAGTGCAGCTCGTTGGTC	134
Naaldwijk1	AGGCATGTGACAAACTTGTATTCAAATACGTAGTGCAGCTCGTTGGTC	134
China1	AGGCATGTGACAAACTTGTATTCAAATACGTAGTGCAGCTCGTTGGTC	134
Naaldwijk2	AGGCATGTGACAAACTTGTATTCAAATACGTAGTGCAGCTCGTTGGTC	134
China2	AGGCATGTGACAAACTTGTATTCAAATACGTAGTGCAGCTCGTTGGTC	134
Hongarije2	AGGCATGTGACAAACTTGTATTCAAATACGTAGTGCAGCTCGTTGGTC	134
Koppert2	AGGCATGTGACAAACTTGTATTCAAATACGTAGTGCAGCTCGTTGGTC	134
C4-2010	AGGCATGTGACAAACTTGTATTCAAATACGTAGTGCAGCTCGTTGGTC	138
N3-2010	AGGCATGTGACAAACTTGTATTCAAATACGTAGTGCAGCTCGTTGGTC	138
H4-2010	AGGCATGTGACAAACTTGTATTCAAATACGTAGTGCAGCTCGTTGGTC	138
K3-2010	AGGCATGTGACAAACTTGTATTCAAATACGTAGTGCAGCTCGTTGGTC	138
N.cucumeris_AY121985_	AGGCATGTGACAAACTTGTATTCAAATACGTAGTGCAGCTCGTTGGTC	200
Naaldwijk1RC	AGGCATGTGACAAACTTGTATTCAAATACGTAGTGCAGCTCGTTGGTC	200
China1RC	AGGCATGTGACAAACTTGTATTCAAATACGTAGTGCAGCTCGTTGGTC	200
China2RC	AGGCATGTGACAAACTTGTATTCAAATACGTAGTGCAGCTCGTTGGTC	200
C4-2010RC	AGGCATGTGACAAACTTGTATTCAAATACGTAGTGCAGCTCGTTGGTC	200
Naaldwijk2RC	AGGCATGTGACAAACTTGTATTCAAATACGTAGTGCAGCTCGTTGGTC	200
Hongarije2RC	AGGCATGTGACAAACTTGTATTCAAATACGTAGTGCAGCTCGTTGGTC	200

Hongarije1	CGTGGCACACTGCTCAATTGTGGTTCGTCACAGAACGGCGAGG	184
Koppert1	CGTGGCACACTGCTCAATTGTGGTTCGTCACAGAACGGCGAGG	184
Naaldwijk1	CGTGGCACACTGCTCAATTGTGGTTCGTCACAGAACGGCGAGG	184
China1	CGTGGCACACTGCTCAATTGTGGTTCGTCACAGAACGGCGAGG	184
Naaldwijk2	CGTGGCACACTGCTCAATTGTGGTTCGTCACAGAACGGCGAGG	184
China2	CGTGGCACACTGCTCAATTGTGGTTCGTCACAGAACGGCGAGG	184
Hongarije2	CGTGGCACACTGCTCAATTGTGGTTCGTCACAGAACGGCGAGG	184
Koppert2	CGTGGCACACTGCTCAATTGTGGTTCGTCACAGAACGGCGAGG	184
C4-2010	CGTGGCACACTGCTCAATTGTGGTTCGTCACAGAACGGCGAGG	188
N3-2010	CGTGGCACACTGCTCAATTGTGGTTCGTCACAGAACGGCGAGG	188
H4-2010	CGTGGCACACTGCTCAATTGTGGTTCGTCACAGAACGGCGAGG	188
K3-2010	CGTGGCACACTGCTCAATTGTGGTTCGTCACAGAACGGCGAGG	188
N.cucumeris_AY121985_	CGTGGCACACTGCTCAATTGTGGTTCGTCACAGAACGGCGAGG	250
Naaldwijk1RC	CGTGGCACACTGCTCAATTGTGGTTCGTCACAGAACGGCGAGG	250
China1RC	CGTGGCACACTGCTCAATTGTGGTTCGTCACAGAACGGCGAGG	250
China2RC	CGTGGCACACTGCTCAATTGTGGTTCGTCACAGAACGGCGAGG	250
C4-2010RC	CGTGGCACACTGCTCAATTGTGGTTCGTCACAGAACGGCGAGG	250
Naaldwijk2RC	CGTGGCACACTGCTCAATTGTGGTTCGTCACAGAACGGCGAGG	250
Hongarije2RC	CGTGGCACACTGCTCAATTGTGGTTCGTCACAGAACGGCGAGG	250

Hongarije1	CGTAGTCGGTACCATTCCGACAAACACCTTCACTTCTGTAAAGAAGTCGT	234
Koppert1	CGTAGTCGGTACCATTCCGACAAACACCTTCACTTCTGTAAAGAAGTCGT	234
Naaldwijk1	CGTAGTCGGTACCATTCCGACAAACACCTTCACTTCTGTAAAGAAGTCGT	234
China1	CGTAGTCGGTACCATTCCGACAAACACCTTCACTTCTGTAAAGAAGTCGT	234
Naaldwijk2	CGTAGTCGGTACCATTCCGACAAACACCTTCACTTCTGTAAAGAAGTCGT	234
China2	CGTAGTCGGTACCATTCCGACAAACACCTTCACTTCTGTAAAGAAGTCGT	234
Hongarije2	CGTAGTCGGTACCATTCCGACAAACACCTTCACTTCTGTAAAGAAGTCGT	234
Koppert2	CGTAGTCGGTACCATTCCGACAAACACCTTCACTTCTGTAAAGAAGTCGT	234
C4-2010	CGTAGTCGGTACCATTCCGACAAACACCTTCACTTCTGTAAAGAAGTCGT	238
N3-2010	CGTAGTCGGTACCATTCCGACAAACACCTTCACTTCTGTAAAGAAGTCGT	238
H4-2010	CGTAGTCGGTACCATTCCGACAAACACCTTCACTTCTGTAAAGAAGTCGT	238
K3-2010	CGTAGTCGGTACCATTCCGACAAACACCTTCACTTCTGTAAAGAAGTCGT	238
N.cucumeris_AY121985_	CGTAGTCGGTACCATTCCGACAAACACCTTCACTTCTGTAAAGAAGTCGT	300
Naaldwijk1RC	CGTAGTCGGTACCATTCCGACAAACACCTTCACTTCTGTAAAGAAGTCGT	300
China1RC	CGTAGTCGGTACCATTCCGACAAACACCTTCACTTCTGTAAAGAAGTCGT	300
China2RC	CGTAGTCGGTACCATTCCGACAAACACCTTCACTTCTGTAAAGAAGTCGT	300
C4-2010RC	CGTAGTCGGTACCATTCCGACAAACACCTTCACTTCTGTAAAGAAGTCGT	300
Naaldwijk2RC	CGTAGTCGGTACCATTCCGACAAACACCTTCACTTCTGTAAAGAAGTCGT	300
Hongarije2RC	CGTAGTCGGTACCATTCCGACAAACACCTTCACTTCTGTAAAGAAGTCGT	300

Hongarije1	TTGTGCTATTGAGAAGAAAAAAATCAAGACTCAATATGGGGGATCCTTA	284
Koppert1	TTGTGCTATTGAGAAGAAAAAAATCAAGACTCAATATGGGGGATCCTTA	284
Naaldwijk1	TTGTGCTATTGAGAAGAAAAAAATCAAGACTCAATATGGGGGATCCTTA	284
China1	TTGTGCTATTGAGAAGAAAAAAATCAAGACTCAATATGGGGGATCCTTA	284
Naaldwijk2	TTGTGCTATTGAGAAGAAAAAAATCAAGACTCAATATGGGGGATCCTTA	284
China2	TTGTGCTATTGAGAAGAAAAAAATCAAGACTCAATATGGGGGATCCTTA	284
Hongarije2	TTGTGCTATTGAGAAGAAAAAAATCAAGACTCAATATGGGGGATCCTTA	284
Koppert2	TTGTGCTATTGAGAAGAAAAAAATCAAGACTCAATATGGGGGATCCTTA	284
C4-2010	TTGTGCTATTGAGAAGAAAAAAATCAAGACTCAATATGGGGGATCCTTA	288
N3-2010	TTGTGCTATTGAGAAGAAAAAAATCAAGACTCAATATGGGGGATCCTTA	288
H4-2010	TTGTGCTATTGAGAAGAAAAAAATCAAGACTCAATATGGGGGATCCTTA	288
K3-2010	TTGTGCTATTGAGAAGAAAAAAATCAAGACTCAATATGGGGGATCCTTA	288
N.cucumeris_AY121985_	TTGTGCTATTGAGAAGAAAAAAATCAAGACTCAATATGGGGGATCCTTA	350
Naaldwijk1RC	TTGTGCTATTGAGAAGAAAAAAATCAAGACTCAATATGGGGGATCCTTA	350
China1RC	TTGTGCTATTGAGAAGAAAAAAATCAAGACTCAATATGGGGGATCCTTA	350
China2RC	TTGTGCTATTGAGAAGAAAAAAATCAAGACTCAATATGGGGGATCCTTA	350
C4-2010RC	TTGTGCTATTGAGAAGAAAAAAATCAAGACTCAATATGGGGGATCCTTA	350
Naaldwijk2RC	TTGTGCTATTGAGAAGAAAAAAATCAAGACTCAATATGGGGGATCCTTA	350
Hongarije2RC	TTGTGCTATTGAGAAGAAAAAAATCAAGACTCAATATGGGGGATCCTTA	350

Hongarije1	GTCCTTAAATCGATGAAAAACATACTAATTGTGGAAATTGATGTGAGTT	334
Koppert1	GTCCTTAAATCGATGAAAAACATAGTAATTGTGGAAATTGATGTGAGTT	334
Naaldwijk1	GTCCTTAAATCGATGAAAAACATAGTAATTGTGGAAATTGATGTGAGTT	334
China1	GTCCTTAAATCGATGAAAAACATAGTAATTGTGGAAATTGATGTGAGTT	334
Naaldwijk2	GTCCTTAAATCGATGAAAAACATAGTAATTGTGGAAATTGATGTGAGTT	334
China2	GTCCTTAAATCGATGAAAAACATAGTAATTGTGGAAATTGATGTGAGTT	334
Hongarije2	GTCCTTAAATCGATGAAAAACATAGTAATTGTGGAAATTGATGTGAGTT	334
Koppert2	GTCCTTAAATCGATGAAAAACATAGTAATTGTGGAAATTGATGTGAGTT	334
C4-2010	GTCCTTAAATCGATGAAAAACATAGTAATTGTGGAAATTGATGTGAGTT	338
N3-2010	GTCCTTAAATCGATGAAAAACATAGTAATTGTGGAAATTGATGTGAGTT	338
H4-2010	GTCCTTAAATCGATGAAAAACATAGTAATTGTGGAAATTGATGTGAGTT	338
K3-2010	GTCCTTAAATCGATGAAAAACATAGTAATTGTGGAAATTGATGTGAGTT	338
N.cucumeris_AY121985_	GTCCTTAAATCGATGAAAAACATAGTAATTGTGGAAATTGATGTGAGTT	400
Naaldwijk1RC	GTCCTTAAATCGATGAAAAACATAGTAATTGTGGAAATTGATGTGAGTT	400
China1RC	GTCCTTAAATCGATGAAAAACATAGTAATTGTGGAAATTGATGTGAGTT	400
China2RC	GTCCTTAAATCGATGAAAAACATAGTAATTGTGGAAATTGATGTGAGTT	400
C4-2010RC	GTCCTTAAATCGATGAAAAACATAGTAATTGTGGAAATTGATGTGAGTT	400
Naaldwijk2RC	GTCCTTAAATCGATGAAAAACATAGTAATTGTGGAAATTGATGTGAGTT	400
Hongarije2RC	GTCCTTAAATCGATGAAAAACATAGTAATTGTGGAAATTGATGTGAGTT	400

Hongarije1	GTGAAATTTGTAGCATTGTTTTGAAATGAAAATTCAGCATGGACA	384
Koppert1	GTGAAATTTGTAGCATTGTTTTGAAATGAAAATTCAGCATGGACA	384
Naaldwijk1	GTGAAATTTGTAGCATTGTTTTGAAATGAAAATTCAGCATGGACA	384
China1	GTGAAATTTGTAGCATTGTTTTGAAATGAAAATTCAGCATGGACA	384
Naaldwijk2	GTGAAATTTGTAGCATTGTTTTGAAATGAAAATTCAGCATGGACA	384
China2	GTGAAATTTGTAGCATTGTTTTGAAATGAAAATTCAGCATGGACA	384
Hongarije2	GTGAAATTTGTAGCATTGTTTTGAAATGAAAATTCAGCATGGACA	384
Koppert2	GTGAAATTTGTAGCATTGTTTTGAAATGAAAATTCAGCATGGACA	384
C4-2010	GTGAAATTTGTAGCATTGTTTTGAAATGAAAATTCAGCATGGACA	388
N3-2010	GTGAAATTTGTAGCATTGTTTTGAAATGAAAATTCAGCATGGACA	388
H4-2010	GTGAAATTTGTAGCATTGTTTTGAAATGAAAATTCAGCATGGACA	388
K3-2010	GTGAAATTTGTAGCATTGTTTTGAAATGAAAATTCAGCATGGACA	388
N.cucumeris_AY121985_	GTGAAATTTGTAGCATTGTTTTGAAATGAAAATTCAGCATGGACA	450
Naaldwijk1RC	GTGAAATTTGTAGCATTGTTTTGAAATGAAAATTCAGCATGGACA	450
China1RC	GTGAAATTTGTAGCATTGTTTTGAAATGAAAATTCAGCATGGACA	450
China2RC	GTGAAATTTGTAGCATTGTTTTGAAATGAAAATTCAGCATGGACA	450
C4-2010RC	GTGAAATTTGTAGCATTGTTTTGAAATGAAAATTCAGCATGGACA	450
Naaldwijk2RC	GTGAAATTTGTAGCATTGTTTTGAAATGAAAATTCAGCATGGACA	450
Hongarije2RC	GTGAAATTTGTAGCATTGTTTTGAAATGAAAATTCAGCATGGACA	450

Hongarije1	CTTCTGTATCTGTGCTACATTGTTTCACTATAAAACGTATCATACGT	434
Koppert1	CTTCTGTATCTGTGCTACATTGTTTCACTATAAAACGTATCATACGT	434
Naaldwijk1	CTTCTGTATCTGTGCTACATTGTTTCAGTATATAAAACGTATCATACGT	434
China1	CTTCTGTATCTGTGCTACATTGTTTCAGTATATAAAACGTATCATACGT	434
Naaldwijk2	CTTCTGTATCTGTGCTACATTGTTTCAGTATATAAAACGTATCATACGT	434
China2	CTTCTGTATCTGTGCTACATTGTTTCAGTATATAAAACGTATCATACGT	434
Hongarije2	CTTCTGTATCTGTGCTACATTGTTTCAGTATATAAAACGTATCATACGT	434
Koppert2	CTTCTGTATCTGTGCTACATTGTTTCAGTATATAAAACGTATCATACGT	434
C4-2010	CTTCTGTATCTGTGCTACATTGTTTCAGTATATAAAACGTATCATACGT	438
N3-2010	CTTCTGTATCTGTGCTACATTGTTTCAGTATATAAAACGTATCATACGT	438
H4-2010	CTTCTGTATCTGTGCTACATTGTTTCAGTATATAAAACGTATCATACGT	438
K3-2010	CTTCTGTATCTGTGCTACATTGTTTCAGTATATAAAACGTATCATACGT	438
N.cucumeris_AY121985_	CTTCTGTATCTGTGCTACATTGTTTCAGTATATAAAACGTATCATACGT	500
Naaldwijk1RC	CTTCTGTATCTGTGCTACATTGTTTCAGTATATAAAACGTATCATACGT	500
China1RC	CTTCTGTATCTGTGCTACATTGTTTCAGTATATAAAACGTATCATACGT	500
China2RC	CTTCTGTATCTGTGCTACATTGTTTCAGTATATAAAACGTATCATACGT	500
C4-2010RC	CTTCTGTATCTGTGCTACATTGTTTCAGTATATAAAACGTATCATACGT	500
Naaldwijk2RC	CTTCTGTATCTGTGCTACATTGTTTCAGTATATAAAACGTATCATACGT	500
Hongarije2RC	CTTCTGTATCTGTGCTACATTGTTTCAGTATATAAAACGTATCATACGT	500

Hongarije1	ATTTACCTTGCTGAGCCCTCGTCGGCGCGCTATGCAATGGTATAAAT	484
Koppert1	ATTTACCTTGCTGAGCCCTCGTCGGCACCGCTATGCAATGGTATAAAT	484
Naaldwijk1	ATTTACCTTGCTGAGCCCTCGTCGGCACCGCTATGCAATGGTATAAAT	484
China1	ATTTACCTTGCTGAGCCCTCGTCGGCACCGCTATGCAATGGTATAAAT	484
Naaldwijk2	ATTTACCTTGCTGAGCCCTCGTCGGCACCGCTATGCAATGGTATAAAT	484
China2	ATTTACCTTGCTGAGCCCTCGTCGGCACCGCTATGCAATGGTATAAAT	484
Hongarije2	ATTTACCTTGCTGAGCCCTCGTCGGCACCGCTATGCAATGGTATAAAT	484
Koppert2	ATTTACCTTGCTGAGCCCTCGTCGGCACCGCTATGCAATGGTATAAAT	484
C4-2010	ATTTACCTTGCTGAGCCCTCGTCGGCACCGCTATGCAATGGTATAAAT	488
N3-2010	ATTTACCTTGCTGAGCCCTCGTCGGCACCGCTATGCAATGGTATAAAT	488
H4-2010	ATTTACCTTGCTGAGCCCTCGTCGGCACCGCTATGCAATGGTATAAAT	488
K3-2010	ATTTACCTTGCTGAGCCCTCGTCGGCACCGCTATGCAATGGTATAAAT	488
N.cucumeris_AY121985_	ATTTACCTTGCTGAGCCCTCGTCGGCACCGCTATGCAATGGTATAAAT	550
Naaldwijk1RC	ATTTACCTTGCTGAGCCCTCGTCGGCACCGCTATGCAATGGTAT---	546
China1RC	ATTTACCTTGCTGAGCCCTCGTCGGCACCGCTATGCAATGGTAT---	546
China2RC	ATTTACCTTGCTGAGCCCTCGTCGGCACCGCTATGCAATGGTAT---	546
C4-2010RC	ATTTACCTTGCTGAGCCCTCGTCGGCACCGCTATGCAATGGTAT---	546
Naaldwijk2RC	ATTTACCTTGCTGAGCCCTCGTCGGCACCGCTATGCAATGGTAT---	546
Hongarije2RC	ATTTACCTTGCTGAGCCCTCGTCGGCACCGCTATGCAATGGTAT---	546

Hongarije1	TCTCTTGGTCACAAGAGTGTACCAAAACCAAACCATTATGACGTGTAT	534
Koppert1	TCTCTTGGTCACAAGAGTGTACCAAAACCAAACCATTATGACGTGTAT	534
Naaldwijk1	TCTCTTGGTCACAAGAGTGTACCAAAACCAAACCATTATGACGTGTAT	534
China1	TCTCTTGGTCACAAGAGTGTACCAAAACCAAACCATTATGACGTGTAT	534
Naaldwijk2	TCTCTTGGTCACAAGAGTGTACCAAAACCAAACCATTATGACGTGTAT	534
China2	TCTCTTGGTCACAAGAGTGTACCAAAACCAAACCATTATGACGTGTAT	534
Hongarije2	TCTCTTGGTCACAAGAGTGTACCAAAACCAAACCATTATGACGTGTAT	534
Koppert2	TCTCTTGGTCACAAGAGTGTACCAAAACCAAACCATTATGACGTGTAT	534
C4-2010	TCTCTTGGTCACAAGAGTGTACCAAAACCAAACCATTATGACGTGTAT	538
N3-2010	TCTCTTGGTCACAAGAGTGTACCAAAACCAAACCATTATGACGTGTAT	538
H4-2010	TCTCTTGGTCACAAGAGTGTACCAAAACCAAACCATTATGACGTGTAT	538
K3-2010	TCTCTTGGTCACAAGAGTGTACCAAAACCAAACCATTATGACGTGTAT	538
N.cucumeris_AY121985_	TCTCTTGGTCACAAGAGTGTACCAAAACCAAACCATTATGACGTGTAT	600
Naaldwijk1RC	-----	
China1RC	-----	
China2RC	-----	
C4-2010RC	-----	
Naaldwijk2RC	-----	
Hongarije2RC	-----	

Hongarije1	CTGAAATCAAGTGTGACGACCCCC	558
Koppert1	CTGAAATCAAGTGTGACGACCCCC	558
Naaldwijk1	CTGAAATCAAGTGTGACGACCCCC	558
China1	CTGAAATCAAGTGTGACGACCCCC	558
Naaldwijk2	CTGAAATCAAGTGTGACGACCCCC	558
China2	CTGAAATCAAGTGTGACGACCCCC	558
Hongarije2	CTGAAATCAAGTGTGACGACCCCC	558
Koppert2	CTGAAATCAAGTGTGACGACCCCC	558
C4-2010	CTGAAATCAAGTGTGACGACCCCC	562
N3-2010	CTGAAATCAAGTGTGACGACCCCC	562
H4-2010	CTGAAATCAAGTGTGACGACCCCC	562
K3-2010	CTGAAATCAAGTGTGACGACCCCC	562
N.cucumeris_AY121985_	TTGAAATCAAGTGTGACGACCCCC	624
Naaldwijk1RC	-----	
China1RC	-----	
China2RC	-----	
C4-2010RC	-----	
Naaldwijk2RC	-----	
Hongarije2RC	-----	

Bijlage II. BLAST analyse van 12S fragment, 5 basen verschil te zien

61779	1	TCCACATCAATAAGAAATTGAATTCTTATTACTATCAAATCCAATTCAAATAAAATT	60
AY099366	60C.....	119
61779	61	AATTTATACAAAAAAGTAGCTCATTAACCACTTATAATTACACATTGACCTGAAT	120
AY099366	120G.....	179
61779	121	TAAAACACTAACGTAAAAGCAATAACCTGTATGTTAAAACCTAACAGCCGTACATAAA	180
AY099366	180	239
61779	181	ACAAAAGTGGTGAATTAAAGGGGGTTATCAAATTAAACAAGCTCCTCTGCTAGA	240
AY099366	240A.....	299
61779	241	GTTAGTGACCGCCAGAAGAATTAGTTAGAAAAATAATTACTACTTAAAGCAACCT	300
AY099366	300T..	359
61779	301	TTAAATAATAGGGTATCTAACCTCTAGTT	329
AY099366	360G.....	388

Tabel 2: Geanalyseerde *A.swirskii* isolaten (gegevens uit GenBank)

Isolate	Source	Acc. Number	Note
<i>A.swirskii</i> -M1	citrus orchard	EU 924212	1
<i>A.swirskii</i> -M3	citrus orchard	EU 924215	2
<i>A.swirskii</i> -M4	citrus orchard	EU 924213	3
<i>A.swirskii</i> -M5	citrus orchard	EU 924214	4
<i>A.swirskii</i> -M9	grape	EU 924216	5
<i>A.swirskii</i> -PPO		EU 310505	6

1. Egypt: Alazizia Village (farm one), Sharkia governorate
2. Egypt: Alazizia Village (farm two), Sharkia governorate
3. Egypt: Shobra Bokhoom (farm one), Monufia governorate
4. Egypt: Shobra Bokhoom (farm two), Monufia governorate
5. Egypt: Monufia governorate
6. Netherlands: Bleiswijk

- 1-5: Ramadan,H.A.I., El-Banhawy,E.M. and Afia,S.I.; Nuclear sequence variations in the predacious phytoseiid mite, *Amblyseius swirskii* (Acari: Phytoseiidae); Unpublished. Cell Biology, National Research Center, El Tahrir Street, 12622 Dokki, Giza, Giza 12622, Egypt
- 6: Pham, K.T.K., Linden, A. van der, Kuik, F., Molecular characterization and detection of *Amblyseius andersoni* and *A. swirskii* (Acari: Phytoseiidae), Wageningen UR, The Netherlands.

CLUSTAL 2.0.12 multiple sequence alignment

A.swirskii-M4	GTAAGTCGGTACCATTCCGACCACCTTTCCCTCCTTGAAAGTAAGTTGTGCTATC	60
A.swirskii-M5	-----GTACCATTCCGACCACCTTTCCCTCCTTGAAAGTAAGTTGTGCTATC	52
A.swirskii-M3	GTAAGTCGGTACCATTCCGACAAACCTTTCACTTCCTTGAAAGTAAGTTGTGCTATC	60
A.swirskii-M1	GTAAGTCGGTACCATTCCGACAAACCTTTCACTTCCTTGAAAGTAAGTTGTGCTATC	60
A.swirskii-PPO	GTAAGTCGGTACCATTCCGACAA-CCTTTCACTTCCTTGAAAGTAAGTTGTGCTATC	59
A.swirskii-M9	-----TTTCACTTCCTTGAAAGTAAGTTGTGCTATC	33

A.swirskii-M4	GAGAAGAAAAAAACCAAGACTCAATGGAGGGGATCACTTAGCCTTAAATCGATGAAA	120
A.swirskii-M5	GAGAAGAAAAAAACCAAGACTCAATAGGGGGATCACTTAGCCTTAAATCGATGAAA	112
A.swirskii-M3	GAGAAGAAAAAAACCAAGACTCAATAGGGGGATCACTTAGCCTTAAATCGATGAAA	120
A.swirskii-M1	GAGAAGAAAAAAACCAAGACTCAATAGGGGGATCACTTAGCCTTAAATCGATGAAA	119
A.swirskii-PPO	GAGAAGAAAAAAACCAAGACTCAATAGGGGGATCACTTAGCCTTAAATCGATGAAA	118
A.swirskii-M9	GAGAAGAAAAAAACCAAGACTCAATAGGGGGATCACTTAGCCTTAAATCGATGAAA	92

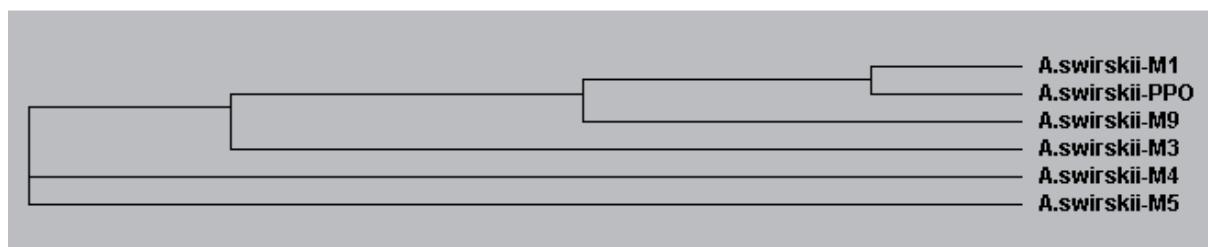
A.swirskii-M4	ACATAGTAATTCGTGGAAATTGACCATAGAGTTGTGAAATTCTTGTGAGCATTGTGTTT	180
A.swirskii-M5	ACATAGTAATTCGTGGAAATTGACCATAGAGTTGTGAAATTCTTGTGAGCATTGTGTTT	172
A.swirskii-M3	ACATAGTAATTCGTGGAAATTGATCATAGAGTTGTGAAATT-TTGTGAGCATTGTGTTT	179
A.swirskii-M1	ACATAGTAATTT-GTGGAAATTGATG--TGAGTTGTGAAATT-TTGTGAGCATTGTGTTT	175
A.swirskii-PPO	ACATAGTAATTT-GTGGAAATTGATG--TGAGTTGTGAAATT-TTGTGAGCATTGTGTTT	174
A.swirskii-M9	ACATAGTAATTT-GTGGAAATTGATG--TGAGTTGTGAAATT-TTGTGAGCATTGTGTTT	148

A.swirskii-M4	TCGAATGAAAATTCAGCACGGACACTTCAGTATACTGTGCGACATTGTTCGAGTAT	240
A.swirskii-M5	TCGAATGAAAATTCAGCACGGACACTTCAGTATACTGTGCGACATTGTTTC-AGTAT	231
A.swirskii-M3	TCGAATGAAAATTCAGCACGGACACTTCAGTATACTGTGCGACATTGTTCGAGTAT	239
A.swirskii-M1	TGAAATGAAAATTCAGCACGGACACTTACTGTAT-CTGTGCTACATTGTTCGAGTAT	234
A.swirskii-PPO	TGAAATGAAAATTCAGCACGGACACTT-CTGTAT-CTGTGCTACATTGTTTC-AGTAT	231
A.swirskii-M9	TGAAATGAAAATTCAGCACGGACACTT-CAGTCTACTGTGCGACATTGTTTC-AGTAT	206

A.swirskii-M4	ATAAAACCGTATCATACGTATTACCTTTGCAGCTAGCCCTCGTCGGAAATGCCATGCAAC	300
A.swirskii-M5	ATAAAACCGTATCATACGTATTACCTTTGCAGCTAGCCCTCGTCGGAAATGCCATGCAAC	291
A.swirskii-M3	ATAAAACCGTATCATACGTATTACCTTTGCAGCTAGCCCTCGTCGGAAATGCCATGCAAC	299
A.swirskii-M1	ATAAAACCGTATCATACGTATTACCTTGCTGC-AGCCCTCGTCGGATGCCATGCAA-	292
A.swirskii-PPO	ATAAAACCGTATCATACGTATTACCTTGCTGC-AGCCCTCGTCGGATGCCATGCAA-	289
A.swirskii-M9	ATAAAACCGAATCATACGTATTACCTTGCTGC-AGCCCTCGTCGGATGCCATGCAAC	265

A.swirskii-M4	TGGCATAATCTCAGT--GGCACAAAGAGTGAGCCCAAAACAA	340
A.swirskii-M5	TGGCATAATCTCAGT--GGCACAAAGAGTGAGCCCAAAACAA	331
A.swirskii-M3	TGGCATAAAATCTCAGT--GGCACAAAGAGTGAGCCCAAAACAA	339
A.swirskii-M1	TGGTATAAAATTCTCTT-GGTCACAAGAGTAA--CCAAAACAA	331
A.swirskii-PPO	TGGTATAAAATTCTCTTGGTCACAAGAGTGATACCAAAACAA	331
A.swirskii-M9	TGGTATACAATTCTCAT-GGGCACGAGAGTGATCCCAAAACAA	306

Figuur 4. Alignment van partiële ITS sequenties van *A. swirskii* isolaat van PPO en verschillende *A. swirskii* isolaten uit Egypte (GenBank gegevens)



Figuur 5. Fylogenetische boom verkregen uit analyses van partiële ITS sequenties van *A. swirskii* isolaat van PPO en verschillende *A. swirskii* isolaten uit Egypte (GenBank gegevens)

